

Quantitative Analyse mittels Massenspektrometrie



Was wir vermittelt

In diesem Web-Seminar erhalten Sie umfangreiche Kenntnisse zur Quantitativen Analyse mittels Massenspektrometrie. Dabei lernen Sie kennen, wie Sie eine Quantitative Analyse mittels internen und externen Standard durchführen. Darüber hinaus werden Ihnen mögliche Fehlerquellen aufgezeigt und wie Sie mit diesen umgehen.

Das Web-Seminar richtet sich an Mitarbeiter (Neueinsteiger sowie Anwender) der Bereiche Labor, Analytik und Forschung in der pharmazeutischen, chemischen, Biotech-, Nahrungsmittel- und Kosmetikindustrie sowie in Auftrags- und Forschungsinstituten. Es wird Grundlagenwissen über Massenspektrometrie vermittelt.

Inhalte

- Quantifizierung (Kalibration)
- Einsatz von internen und externen Standards
- Fehlerquellen bei der Quantitativen Auswertung
- Isotopenmarkierungsexperimente
- Auswahl des MS - QqQ vs. HRMS

Referent

Dr. Michael Witting studierte an der Hochschule Nürnberg Angewandte Chemie in der Fachrichtung Biochemie mit Spezialisierung in der Bioanalytik. Er promovierte am Lehrstuhl für Analytische Lebensmittelchemie der TU München. Derzeit forscht er am Helmholtz Zentrum München als Habilitand im Gebiet der Massenspektrometrie-basierten Metabolomik.

Mit diesem Web-Seminar erhalten Sie einen umfassenden Überblick über die Quantitative Analyse mittels Massenspektrometrie

Zielgruppe:

Wissenschaftler und Labor-mitarbeiter, die in die Technik der Massenspektrometrie einsteigen oder Ihr Wissen auffrischen möchten.

Termin:

22.07.2020 von 10:00 – 11:30 Uhr
zzgl. ca. 15 Minuten für Fragen

Teilnahmegebühr:

140,00 € zzgl. 19% MwSt.

Technische Voraussetzung:

- Internetverbindung
- Webbrowser
- GoToWebinar Desktopanwendung
JavaScript aktiviert
- Lautsprecher aktiviert

Details werden nach der Buchung bekannt gegeben.

Information und Anmeldung unter:

LifeScience Akademie Dr. Bichlmeier
Wasserburger Landstr. 264
81827 München
Tel: 089 45 46 999 4
Fax: 089 45 46 999 5
Email: info@lifescience-akademie.de
www.lifescience-akademie.de